

# Datenbanken 2

## Indexstrukturen

Nikolaus Augsten

`nikolaus.augsten@plus.ac.at`

FB Informatik

Universität Salzburg



<https://dbresearch.uni-salzburg.at>

WS 2022/23

Version 15. November 2022

# Inhalt

- 1 Grundlagen
- 2 Sequentielle Indextypen
  - ISAM Index
  - $B^+$ -Baum
- 3 Hash Index
- 4 Mehrschlüssel Indizes
- 5 Indizes in SQL

# Literatur und Quellen

Lektüre zum Thema “Indexstrukturen”:

- Kapitel 7 aus Kemper und Eickler: Datenbanksysteme: Eine Einführung. Oldenbourg Verlag, 2013.
- Chapter 11 in Silberschatz, Korth, and Sudarashan: Database System Concepts. McGraw Hill, 2011.

Danksagung Die Vorlage zu diesen Folien wurde entwickelt von:

- Michael Böhlen, Universität Zürich, Schweiz
- Johann Gamper, Freie Universität Bozen, Italien

# Inhalt

- 1 Grundlagen
- 2 Sequentielle Indextypen
  - ISAM Index
  - $B^+$ -Baum
- 3 Hash Index
- 4 Mehrschlüssel Indizes
- 5 Indizes in SQL

# Grundlagen/1

- **Index beschleunigt Zugriff**, z.B.:
  - Autorenkatalog in Bibliothek
  - Index in einem Buch
- **Index-Datei** besteht aus Datensätzen: den Index-Einträgen
- **Index-Eintrag** hat die Form  
(Suchschlüssel, Pointer)
  - *Suchschlüssel*: Attribut(liste) nach der Daten gesucht werden
  - *Pointer*: Pointer auf einen Datensatz (TID)
- **Suchschlüssel darf mehrfach vorkommen**  
(im Gegensatz zu Schlüsseln von Relationen)
- Index-Datei meist viel **kleiner** als die indizierte Daten-Datei

# Grundlagen/2

- Merkmale des Index sind:
  - Zugriffszeit
  - Zeit für Einfügen
  - Zeit für Löschen
  - Speicherbedarf
  - effizient unterstützte Zugriffsarten
- Wichtigste Zugriffsarten sind:
  - Punktanfragen: z.B. Person mit SVN=1983-3920
  - Mehrpunktanfragen: z.B. Personen, die 1980 geboren wurden
  - Bereichsanfragen: z.B. Personen die mehr als 100.000 EUR verdienen

# Grundlagen/3

Indextypen werden nach folgenden Kriterien unterschieden:

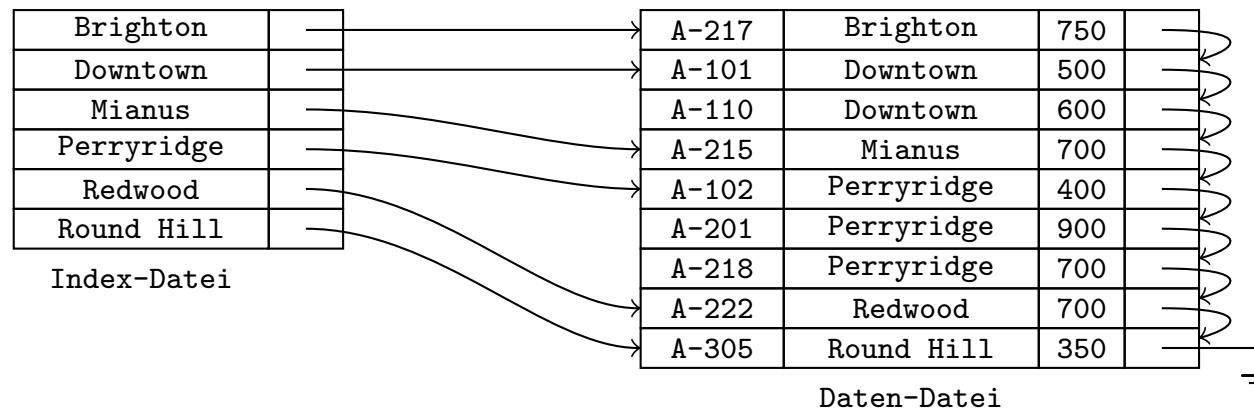
- Ordnung der Daten- und Index-Datei:
  - Clustering Index
  - Non-Clustering Index
- Art der Index-Einträge:
  - sparse Index
  - dense Index

Nicht alle Kombinationen üblich/möglich:

- Clustering Index ist oft sparse
- Non-Clustering Index ist immer dense

# Clustering Index

- Index-Datei:
  - sequentiell geordnet nach Suchschlüssel
- Daten-Datei:
  - sequentiell geordnet nach Suchschlüssel
- Effiziente Zugriffsarten:
  - Punkt-, Mehrpunkt-, und Bereichsanfragen
  - nicht-sequentieller Zugriff (random access)
  - sequentieller Zugriff nach Suchschlüssel sortiert (sequential access)



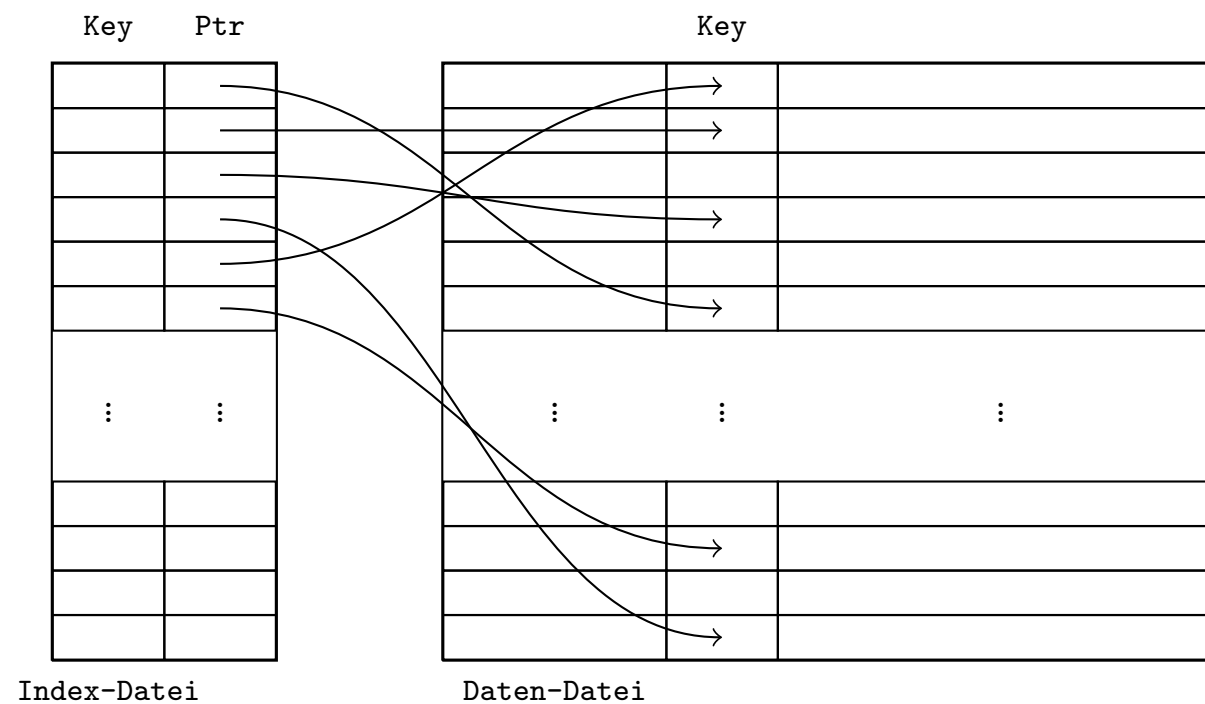


# Non-Clustering Index/1

- Clustering vs. Non-Clustering Index:
  - nur 1 Clustering Index möglich
  - beliebig viele Non-Clustering Indizes
  - Non-Clustering Index für schnellen Zugriff auf alle Felder, die nicht Suchschlüssel des Clustering Index sind
- **Beispiel:** Konten mit Clustering Index auf Kontonummer
  - Finde alle Konten einer bestimmten Filiale.
  - Finde alle Konten mit 1000 bis 1500 EUR Guthaben.
- **Ohne Index** können diese Anfragen **nur durch sequentielles Lesen** aller Knoten beantwortet werden – sehr langsam
- **Non-Clustering Index** für schnellen Zugriff **erforderlich**

# Non-Clustering Index/2

- Index-Datei:
  - sequentiell nach Suchschlüssel geordnet
- Daten-Datei:
  - *nicht* nach Suchschlüssel geordnet



# Non-Clustering Index/3

- Effiziente Zugriffsarten:
  - sehr schnell für Punktanfragen
  - Mehrpunkt- und Bereichsanfragen: gut wenn nur kleiner Teil der Tabelle zurückgeliefert wird (wenige %)
  - besonders für nicht-sequentiellen Zugriff (random access) geeignet

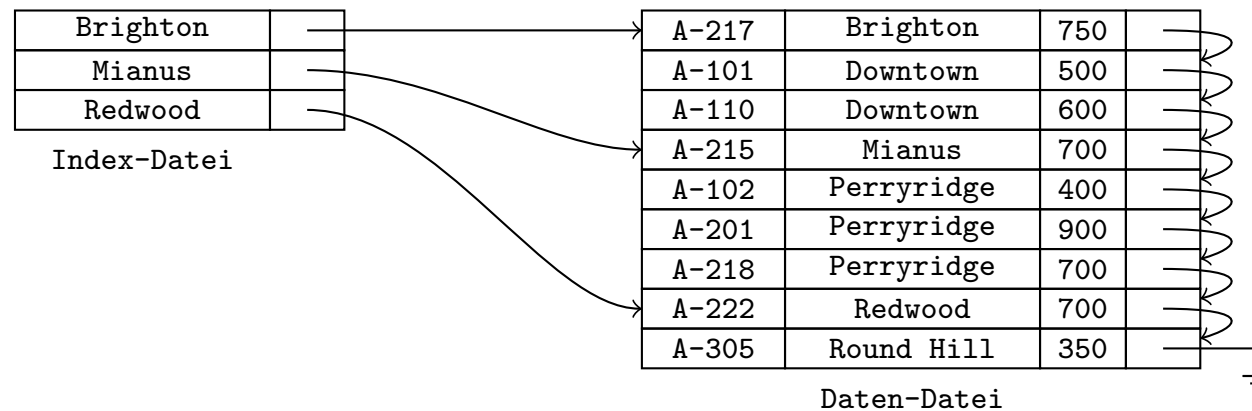
# Primär- und Sekundärindex

Folgende Begriffe finden sich häufig in der Praxis:

- **Primärindex:** Clustering Index mit eindeutigen Suchschlüssel
- **Sekundärindex:** Synonym für Non-Clustering Index

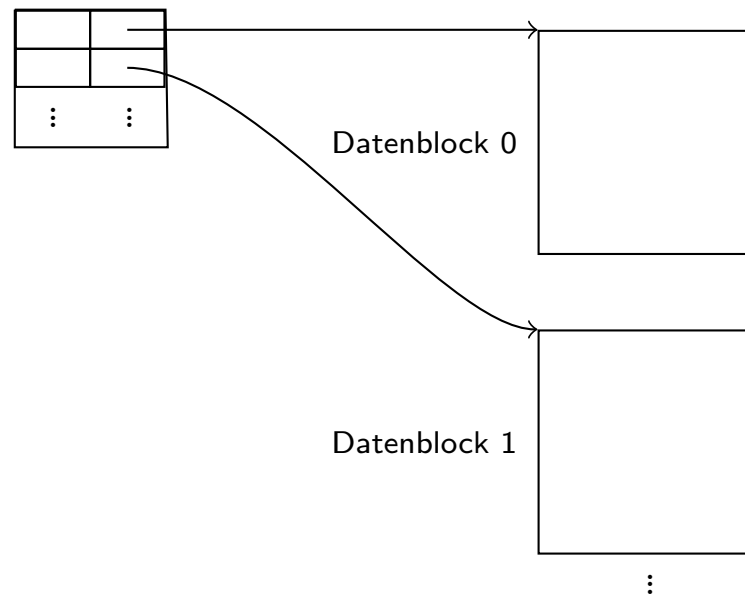
# Sparse Index/1

- Sparse Index
  - ein Index-Eintrag für mehrere Datensätze
  - kleiner Index: weniger Index-Einträge als Datensätze
  - nur möglich wenn Datensätze nach Suchschlüssel geordnet sind (d.h. Clustering Index)



# Sparse Index/2

- Oft enthält ein sparse Index **einen Eintrag pro Block**.
- Der **Suchschlüssel**, der im Index für eine Block gespeichert wird, ist der **kleinste Schlüssel in diesem Block**.



# Dense Index/1

- Dense Index:
  - Index-Eintrag (bzw. Pointer in Bucket) für **jeden Datensatz** in der Daten-Datei
  - dense Index kann groß werden (aber normalerweise kleiner als Daten)
  - Handhabung einfacher, da ein Pointer pro Datensatz
- **Non-Clustering Index** ist immer dense

# Gegenüberstellung von Index-Typen

- Alle Index-Typen machen **Punkt-Anfragen** erheblich schneller.
- Index erzeugt **Kosten bei Updates**: Index muss auch aktualisiert werden.
- **Dense/Sparse** und **Clustering/Non-Clustering**:
  - Clustering Index kann dense oder sparse sein
  - Non-Clustering Index ist immer dense
- **Sortiert lesen** (=sequentielles Lesen nach Suchschlüssel-Ordnung):
  - mit Clustering Index schnell
  - mit Non-Clustering Index teuer, da sich aufeinander folgende Datensätze auf unterschiedlichen Blöcken befinden (können)
- **Dense vs. Sparse**:
  - sparse Index braucht weniger Platz
  - sparse Index hat geringere Kosten beim Aktualisieren
  - dense Index erlaubt bestimmte Anfragen zu beantworten, ohne dass Datensätze gelesen werden müssen ("covering index")



# Duplikate/1

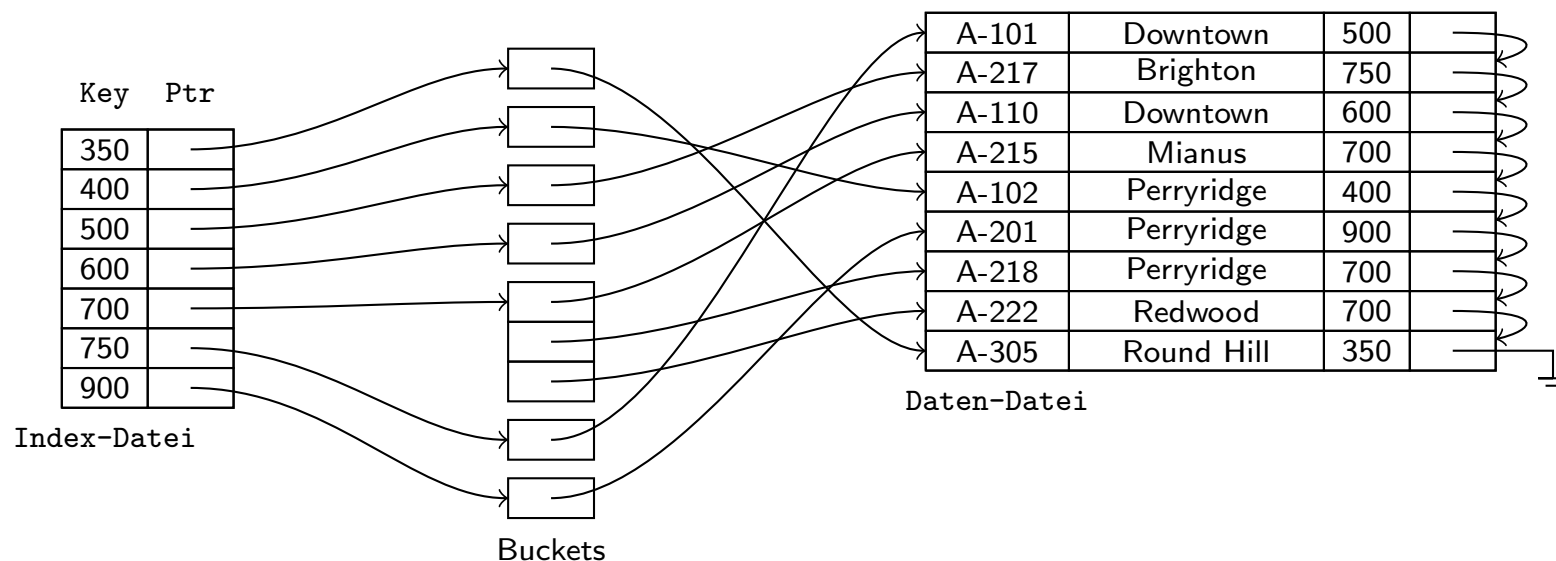
Umgang mit mehrfachen Suchschlüsseln:

## (a) Doppelte Indexeinträge:

- ein Indexeintrag für jeden Datensatz
- schwierig zu handhaben, z.B. in  $B^+$ -Baum Index

## (b) Buckets:

- nur einen Indexeintrag pro Suchschlüssel
- Index-Eintrag zeigt auf ein Bucket
- Bucket zeigt auf alle Datensätze zum entsprechenden Suchschlüssel
- zusätzlicher Block (Bucket) muss gelesen werden



# Duplikate/2

Umgang mit mehrfachen Suchschlüsseln:

(c) Suchschlüssel eindeutig machen:

- Einfügen: TID wird an Suchschlüssel angehängt (sodass dieser eindeutig wird)
  - Löschen: Suchschlüssel und TID werden benötigt (ergibt genau 1 Index-Eintrag)
  - Suche: nur Suchschlüssel wird benötigt (ergibt mehrere Index-Einträge)
- wird in der Praxis verwendet

In den restlichen Folien wird angenommen, dass Suchschlüssel eindeutig sind bzw. eindeutig erstellt wurden.

# Inhalt

- 1 Grundlagen
- 2 Sequentielle Indextypen**
  - ISAM Index
  - $B^+$ -Baum
- 3 Hash Index
- 4 Mehrschlüssel Indizes
- 5 Indizes in SQL

# Inhalt

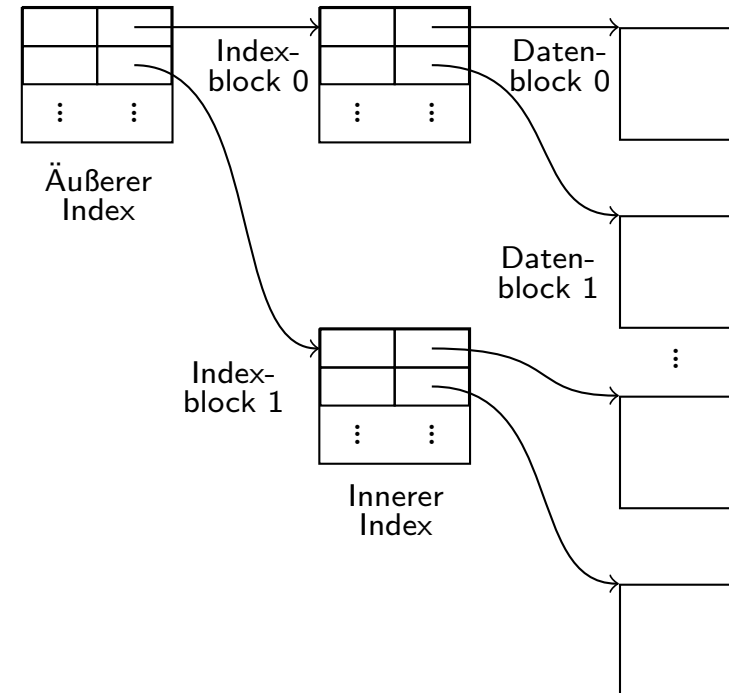
- 1 Grundlagen
- 2 **Sequentielle Indextypen**
  - **ISAM Index**
  - $B^+$ -Baum
- 3 Hash Index
- 4 Mehrschlüssel Indizes
- 5 Indizes in SQL

# Mehrstufiger Index/1

- Großer Index wird teuer:
  - Index passt nicht mehr in Hauptspeicher und mehrere Block-Lese-Operationen werden erforderlich
  - binäre Suche:  $\lfloor \log_2(B) \rfloor + 1$  Block-Lese-Operationen (Index mit  $B$  Blöcken)
  - eventuelle Overflow Blöcke müssen sequentiell gelesen werden
- Lösung: Mehrstufiger Index
  - Index wird selbst wieder indiziert
  - dabei wird der Index als sequentielle Daten-Datei behandelt

# Mehrstufiger Index/2

- **Mehrstufiger Index:**
  - Innerer Index: Index auf Daten-Datei
  - Äußerer Index: Index auf Index-Datei
- Falls äußerer Index zu groß wird, kann eine **weitere Index-Ebene** eingefügt werden.
- Diese Art von (ein- oder mehrstufigem) Index wird auch als **ISAM** (Index Sequential Access Method) oder **index-sequentielle Datei** bezeichnet.



# Mehrstufiger Index/3

- Index Suche
  - beginne beim Root-Knoten
  - finde alle passenden Einträge und verfolge die entsprechenden Pointer
  - wiederhole bis Pointer auf Datensatz zeigt (Blatt-Ebene)
- Index Update: Löschen und Einfügen
  - Indizes aller Ebenen müssen nachgeführt werden
  - Update startet beim innersten Index
  - Erweiterungen der Algorithmen für einstufige Indizes

# Inhalt

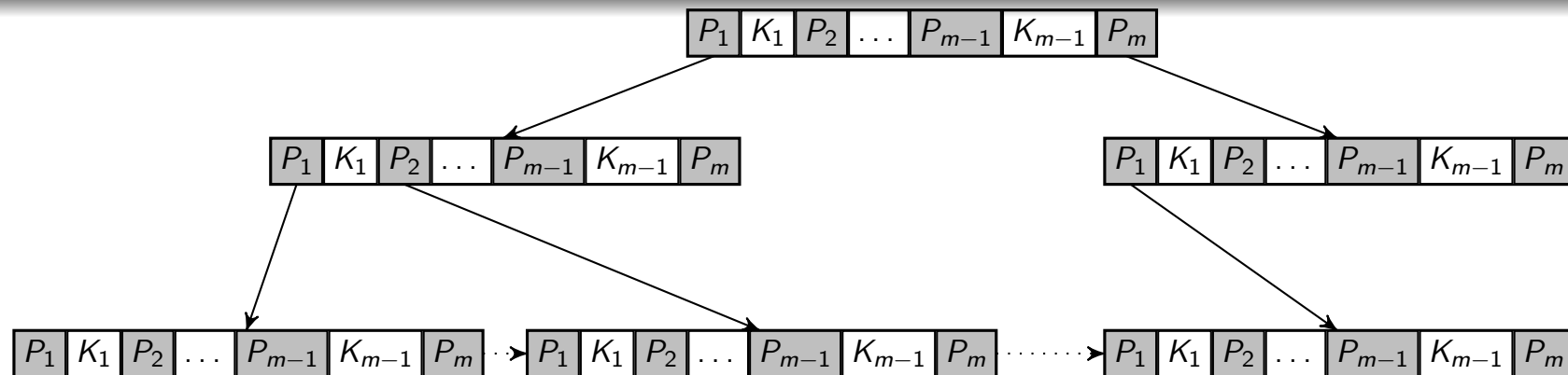
- 1 Grundlagen
- 2 **Sequentielle Indextypen**
  - ISAM Index
  - $B^+$ -Baum
- 3 Hash Index
- 4 Mehrschlüssel Indizes
- 5 Indizes in SQL



# $B^+$ -Baum/1

**$B^+$ -Baum:** Alternative zu index-sequentiellen Dateien:

- **Vorteile** von  $B^+$ -Bäumen:
  - Anzahl der Ebenen wird automatisch angepasst
  - reorganisiert sich selbst nach Einfüge- oder Lösch-Operationen durch kleine lokale Änderungen
  - reorganisieren des gesamten Indexes ist nie erforderlich
- **Nachteile** von  $B^+$ -Bäumen:
  - evtl. Zusatzaufwand bei Einfügen und Löschen
  - etwas höherer Speicherbedarf
  - komplexer zu implementieren
- Vorteile wiegen Nachteile in den meisten Anwendungen bei weitem auf, deshalb sind  $B^+$ -Bäume die meist-verbreitete Index-Struktur

$B^+$ -Baum/2

- **Knoten mit Grad  $m$ :** enthält bis zu  $m - 1$  Suchschlüssel und  $m$  Pointer
  - Knotengrad  $m > 2$  entspricht der maximalen Anzahl der Pointer
  - Suchschlüssel im Knoten sind sortiert
  - Knoten (außer Wurzel) sind mindestens halb voll
- **Wurzelknoten:**
  - als Blattknoten: 0 bis  $m - 1$  Suchschlüssel
  - als Nicht-Blattknoten: mindestens 2 Kinder
- **Innerer Knoten:**  $\lceil m/2 \rceil$  bis  $m$  Kinder (=Anzahl Pointer)
- **Blattknoten:**  $\lceil (m - 1)/2 \rceil$  bis  $m - 1$  Suchschlüssel bzw. Daten-Pointer
- **balancierter Baum:** alle Pfade von der Wurzel zu den Blättern sind gleich lang (maximal  $\lceil \log_{\lceil m/2 \rceil} (L) \rceil$  Kanten für  $L$  Blattknoten)

# Terminologie und Notation

- Ein Paar  $(P_i, K_i)$  ist ein Eintrag
- $L[i] = (P_i, K_i)$  bezeichnet den  $i$ -ten Eintrag von Knoten  $L$
- **Daten-Pointer:** Pointer zu Datensätzen sind nur in den Blättern gespeichert
- **Verbindung zwischen Blättern:** der letzte Pointer im Blatt,  $P_m$ , zeigt auf das nächste Blatt

*Anmerkung:* Es gibt viele Varianten des  $B^+$ -Baumes, die sich leicht unterscheiden. Auch in Lehrbüchern werden unterschiedliche Varianten vorgestellt. Für diese Lehrveranstaltung gilt der  $B^+$ -Baum, wie er hier präsentiert wird.

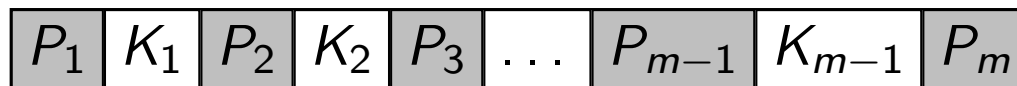
# $B^+$ -Baum Knotenstruktur/1



## Blatt-Knoten:

- $K_1, \dots, K_{m-1}$  sind Suchschlüssel
- $P_1, \dots, P_{m-1}$  sind Daten-Pointer
- Suchschlüssel sind sortiert:  $K_1 < K_2 < K_3 < \dots < K_{m-1}$
- Daten-Pointer  $P_i$ ,  $1 \leq i \leq m - 1$ , zeigt auf einen Datensatz mit Suchschlüssel  $K_i$
- $P_m$  zeigt auf das nächste Blatt in Suchschlüssel-Ordnung

# $B^+$ -Baum Knotenstruktur/2

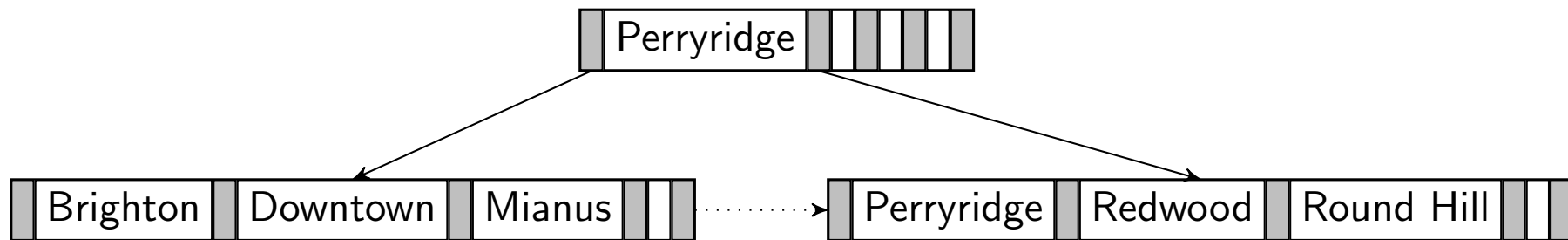


## Innere Knoten:

- Stellen einen **mehrstufigen sparse Index** auf die Blattknoten dar
- Suchschlüssel im Knoten sind **eindeutig**
- $P_1, \dots, P_m$  sind **Pointer zu Kind-Knoten**, d.h., zu Teilbäumen
- Alle **Suchschlüssel  $k$**  im Teilbaum von  $P_i$  haben folgende Eigenschaften:
  - $i = 1: k < K_1$
  - $1 < i < m: K_{i-1} \leq k < K_i$
  - $i = m: k \geq K_{m-1}$

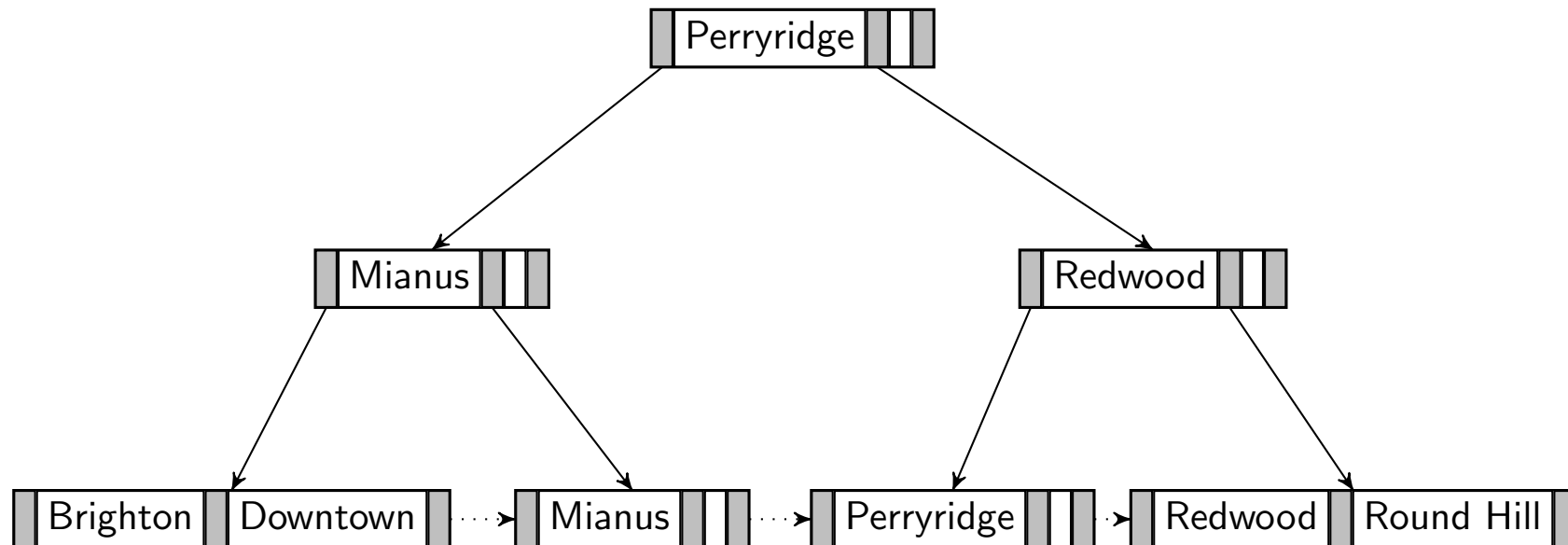
# Beispiel: $B^+$ -Baum/1

- Index auf Konto-Relation mit Suchschlüssel Filiale
- $B^+$ -Baum mit Knotengrad  $m = 5$ :
  - Wurzel: mindestens 2 Pointer zu Kind-Knoten
  - Innere Knoten:  $\lceil m/2 \rceil = 3$  bis  $m = 5$  Pointer zu Kind-Knoten
  - Blätter:  $\lceil (m - 1)/2 \rceil = 2$  bis  $m - 1 = 4$  Suchschlüssel



# Beispiel: $B^+$ -Baum/2

- $B^+$ -Baum für Konto-Relation (Knotengrad  $m = 3$ )
  - Wurzel: mindestens 2 Pointer zu Kind-Knoten
  - Innere Knoten:  $\lceil m/2 \rceil = 2$  bis  $m = 3$  Pointer zu Kind-Knoten
  - Blätter:  $\lceil (m - 1)/2 \rceil = 1$  bis  $m - 1 = 2$  Suchschlüssel



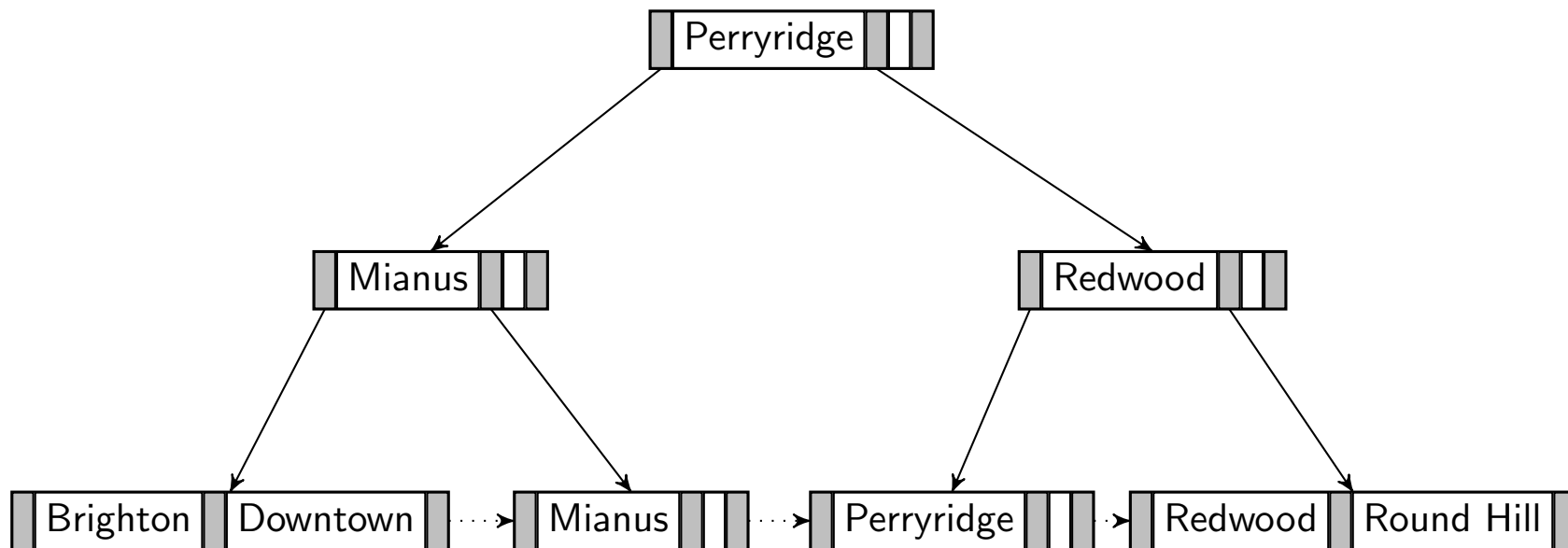
# Suche im $B^+$ -Baum/1

- **Algorithmus: Suche** alle Datensätze mit Suchschlüssel  $k$  (Annahme: dense  $B^+$ -Baum Index):
  1.  $C \leftarrow$  Wurzelknoten
  2. **while**  $C$  keine Blattknoten **do**
    - suche im Knoten  $C$  nach dem größten Schlüssel  $K_i \leq k$
    - if** ein Schlüssel  $K_i \leq k$  existiert
    - then**  $C \leftarrow$  Knoten auf den  $P_{i+1}$  zeigt
    - else**  $C \leftarrow$  Knoten auf den  $P_1$  zeigt
  3. **if** es gibt einen Schlüssel  $K_i$  in  $C$  sodass  $K_i = k$ 
    - then** folge Pointer  $P_i$  zum gesuchten Datensatz
    - else** kein Indexeintrag mit Suchschlüssel  $k$  existiert



Suche im  $B^+$ -Baum/2

- **Beispiel:** Finde alle Datensätze mit Suchschlüssel  $k = \textit{Mianus}$ 
  - Beginne mit dem Wurzelknoten
  - Kein Schlüssel  $K_i \leq \textit{Mianus}$  existiert, also folge  $P_1$
  - $K_1 = \textit{Mianus}$  ist der größte Suchschlüssel  $K_i \leq \textit{Mianus}$ , also folge  $P_2$
  - Suchschlüssel  $\textit{Mianus}$  existiert, also folge dem ersten Datensatz-Pointer  $P_1$  um zum Datensatz zu gelangen



# Suche im $B^+$ -Baum/3

- Suche durchläuft Pfad von Wurzel bis Blatt:
  - Länge des Pfads höchstens  $\lceil \log_{\lceil m/2 \rceil}(L) \rceil$  für  $L$  Blattknoten  
 $\Rightarrow \lceil \log_{\lceil m/2 \rceil}(L) \rceil + 1$  Blöcke<sup>1</sup> müssen gelesen werden
  - sind die Blattknoten nur minimal voll ( $\lceil (m-1)/2 \rceil$ ), ergibt sich die maximale Anzahl der Blattknoten:  $L = \left\lceil \frac{K}{\lceil (m-1)/2 \rceil} \right\rceil$
  - Wurzelknoten bleibt in der Praxis im Hauptspeicher, oft auch dessen Kinder, dadurch werden 1–2 Block-Zugriffe pro Suche gespart
- Suche effizienter als in sequentielllem Index:
  - bis zu  $\lfloor \log_2(B) \rfloor + 1$  Blöcke<sup>1</sup> lesen im einstufigen sequentiellen Index (binäre Suche, Index mit  $B$  Blöcken,  $B = \lceil K/(m-1) \rceil$ )

---

<sup>1</sup>nur Index Blöcke werden gezählt, Datenzugriff hier nicht berücksichtigt

# Integrierte Übung 2.1

Es soll ein Index mit  $K = 10^6$  verschiedenen Suchschlüsseln erstellt werden. Ein Knoten kann maximal 200 Schlüssel mit den entsprechenden Pointern speichern. Es soll nach einem bestimmten Suchschlüssel  $k$  gesucht werden.

- a) Wie viele Block-Zugriffe erfordert ein  $B^+$ -Baum Index maximal, wenn kein Block im Hauptspeicher ist?
- b) Wie viele Block-Zugriffe erfordert ein einstufiger, sequentieller Index mit binärer Suche?

# Einfügen in $B^+$ -Baum/1

- Datensatz mit Suchschlüssel  $k$  einfügen:
  1. füge Datensatz in Daten-Datei ein (ergibt Pointer)
  2. finde Blattknoten für Suchschlüssel  $k$
  3. **falls** im Blatt noch Platz ist **dann**:
    - füge (Pointer, Suchschlüssel)-Paar so in Blatt ein, dass Ordnung der Suchschlüssel erhalten bleibt
  4. **sonst** (Blatt ist voll) teile Blatt-Knoten:
    - a) sortiere alle Suchschlüssel (einschließlich  $k$ )
    - b) die Hälfte der Suchschlüssel bleiben im alten Knoten
    - c) die andere Hälfte der Suchschlüssel kommt in einen neuen Knoten
    - d) füge den kleinsten Eintrag des neuen Knotens in den Eltern-Knoten des geteilten Knotens ein
    - e) **falls** Eltern-Knoten voll ist **dann**:  
teile den Knoten und propagiere Teilung nach oben, sofern nötig

# Einfügen in $B^+$ -Baum/2

- **Aufteilvorgang:**
  - falls nach einer Teilung der neue Schlüssel im Elternknoten nicht Platz hat wird auch dieser geteilt
  - im schlimmsten Fall wird der Wurzelknoten geteilt und der  $B^+$ -Baum wird um eine Ebene tiefer

# Algorithmus: Einfügen in $B^+$ -Baum/1 – Blattknoten

→ Knoten  $L$ , Suchschlüssel  $k$ , Pointer  $p$  zu Datensatz

---

## Algorithm 1: B+Tree-Insert( $L, k, p$ )

---

**if**  $L$  has fewer than  $m - 1$  key values **then**

  insert( $k, p$ ) into  $L$

**else**

$T \leftarrow L \cup (k, p)$ ; sort  $T$ ;

  create new node  $L'$ ;

$L'.p_m \leftarrow L.p_m$ ;

  remove all entries from  $L$ ;

$L.p_m \leftarrow L'$ ;

  copy  $T.p_1$  through  $T.k_{\lceil m/2 \rceil}$  into  $L$ ;

  copy  $T.p_{\lceil m/2 \rceil + 1}$  through  $T.k_m$  into  $L'$ ;

$k' \leftarrow T.k_{\lceil m/2 \rceil + 1}$ ;

  B+Tree-InsertInParent( $L, k', L'$ );

// Knoten teilen

// temporärer Speicher

// füge neuen Knoten  $L'$  in

// ...verkettete Liste

// ...von Blättern ein

// Verteile Einträge auf  $L$

// ...und  $L'$

// neuen Knoten  $L'$  mit Schlüssel  $k'$

// ...in Elternknoten verlinken

---

# Algorithmus: Einfügen in $B^+$ -Baum/2 – Innerer Knoten

---

## Algorithm 2: B+Tree-InsertInParent( $L, k, L'$ )

---

```

if  $L$  is root then                                     // Wurzel teilen
┌ create new root with children  $L, L'$  and key value  $k$ ;
└ return;

 $P \leftarrow$  parent( $L$ );                                // Paar  $(k, p)$  soll in Knoten  $P$ 
 $p \leftarrow$  pointer to  $L'$ ;                            // ...eingefügt werden
if  $P$  has fewer than  $m$  pointers then                // Teilen nicht erforderlich
┌ insert( $k, p$ ) into  $P$ ;
└

else                                                    // Elternknoten teilen
┌  $T \leftarrow P \cup (k, p)$ ;
  erase all entries from  $P$ ;                             // alter Elternknoten
  create new node  $P'$ ;                                  // neuer Elternknoten

  copy  $T.p_1$  through  $T.p_{\lceil m/2 \rceil}$  into  $P$ ;        // Verteile Einträge auf  $P$ 
  copy  $T.p_{\lceil m/2 \rceil + 1}$  through  $T.p_{m+1}$  into  $P'$ ; // ...und  $P'$ 

   $k' \leftarrow T.k_{\lceil m/2 \rceil}$ ;                    // neuen Knoten  $P'$  mit Schlüssel  $k'$  in
└ B+Tree-InsertInParent( $P, k', P'$ ); // ...Großelternknoten verlinken

```

---

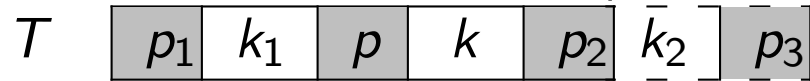
# Blatt teilen/1

Kopiere  $L$  nach  $T$  und füge  $(k, p)$  ein: 

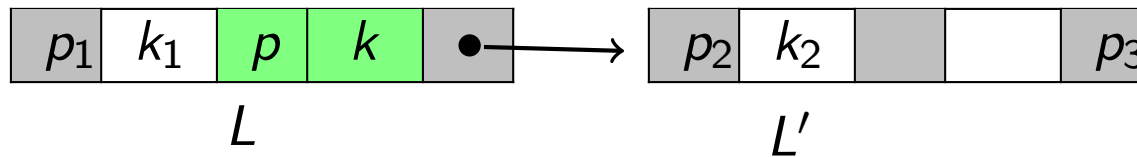
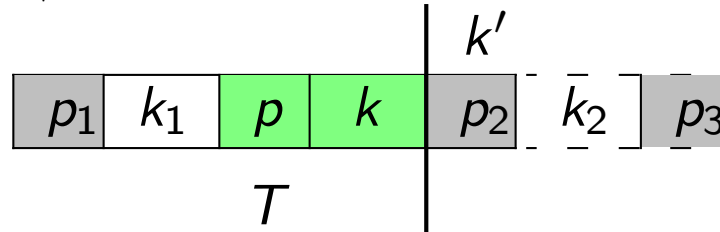
$p_1$	$k_1$	$p_2$	$k_2$	$p_3$
-------	-------	-------	-------	-------

 $m = 3$

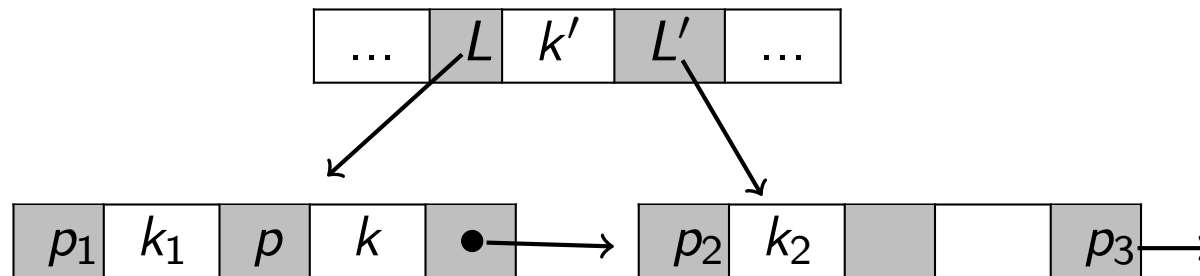
1. Anhängen und sortieren (z.B.:  $k_1 < k < k_2$ )



2. Teilen ( $k' = T.k_{\lceil m/2 \rceil + 1} = T.k_3$ )



3.  $(k', L')$  in Elternknoten von  $L$  einfügen

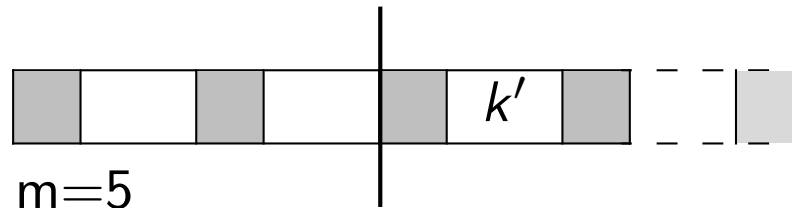




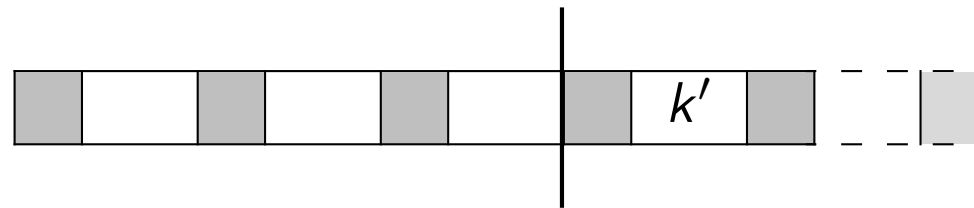
## Blatt teilen/2

$$k' = T.k_{\lceil m/2 \rceil + 1}$$

- m gerade, z.B.: m=4



- m ungerade, z.B.: m=5



## Innere Knoten teilen/1

$P$ 

$p_1$	$k_1$	$p_2$	$k_2$	$p_3$
-------	-------	-------	-------	-------

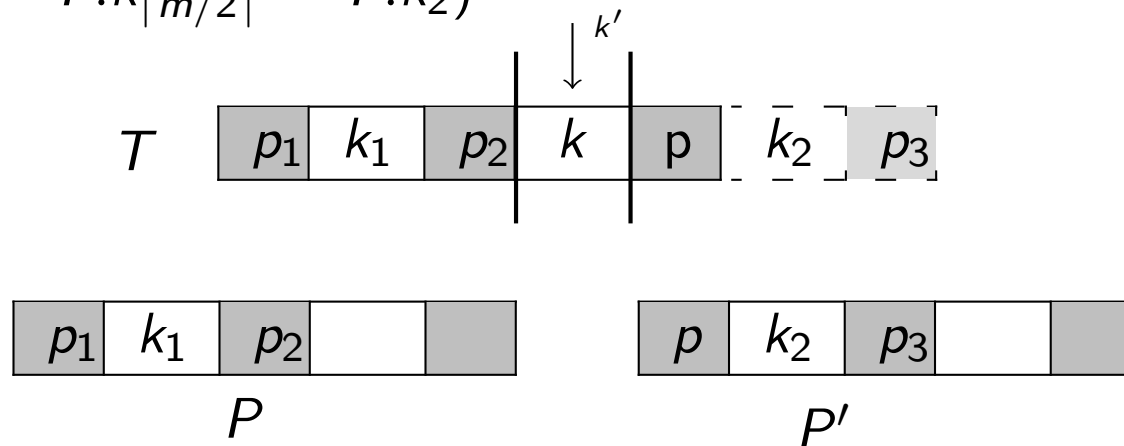
Kopiere  $P$  nach  $T$  und füge  $(k, p)$  ein:

1. Anhängen und sortieren (z.B.:  $k_1 < k < k_2$ )

$T$ 

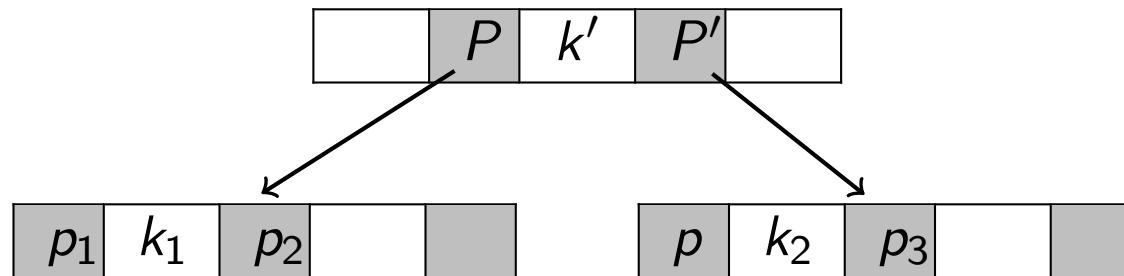
$p_1$	$k_1$	$p_2$	$k$	$p$	$k_2$	$p_3$
-------	-------	-------	-----	-----	-------	-------

2. Teilen ( $k' = T.k_{\lceil m/2 \rceil} = T.k_2$ )



## Innere Knoten teilen/2

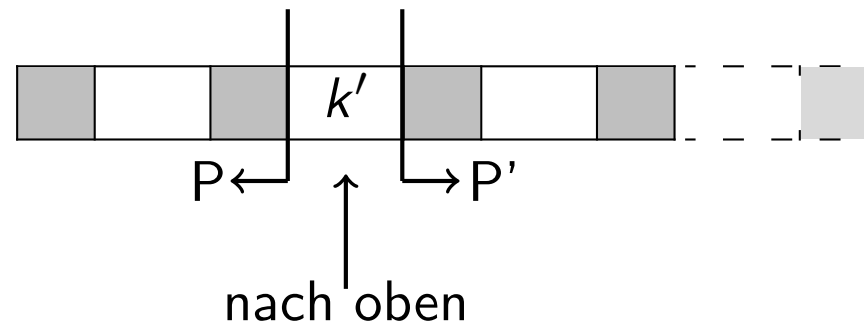
3.  $(k', P')$  in Elternknoten von P einfügen



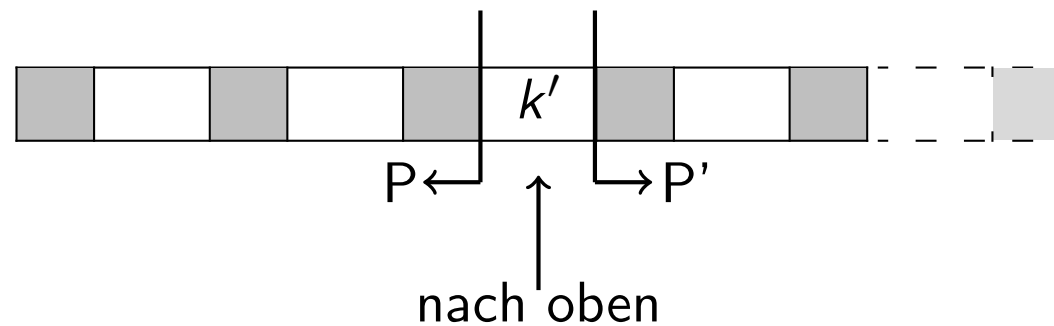
## Innere Knoten teilen/3

$$k' = T.k_{\lceil m/2 \rceil}$$

- m gerade, z.B.: m=4

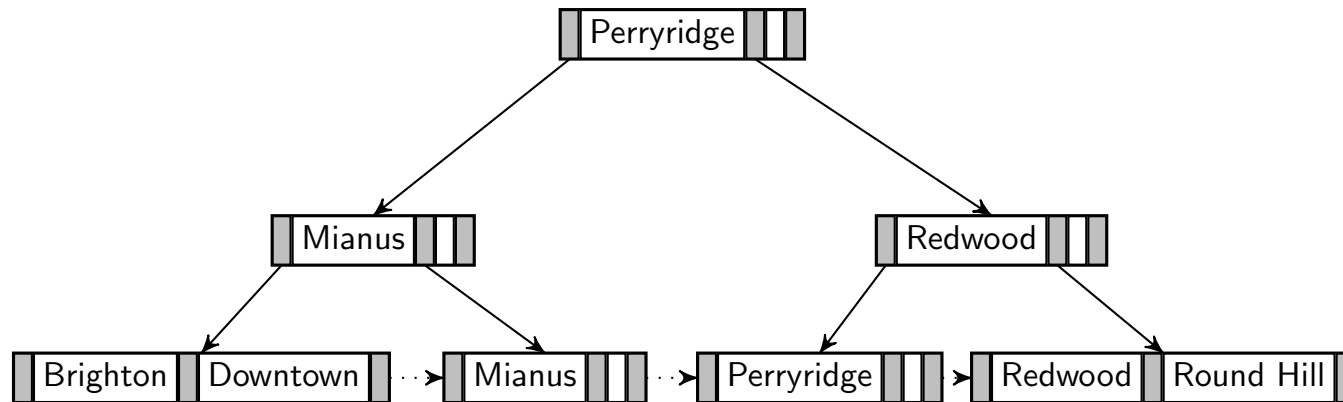


- m ungerade, z.B.: m=5

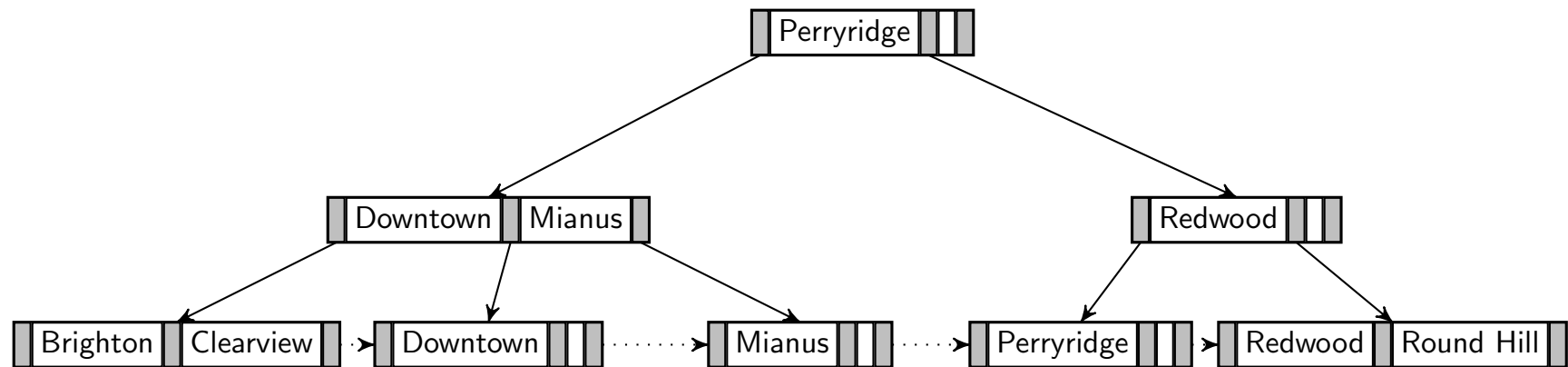


# Beispiel: Einfügen in $B^+$ -Baum/1

- $B^+$ -Baum vor Einfügen von *Clearview*

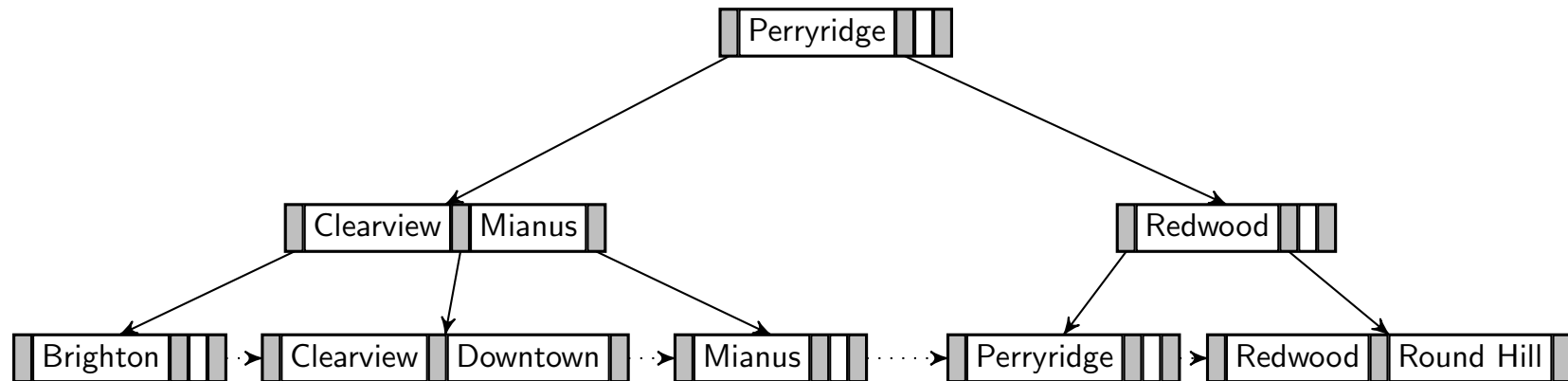


- $B^+$ -Baum nach Einfügen von *Clearview*

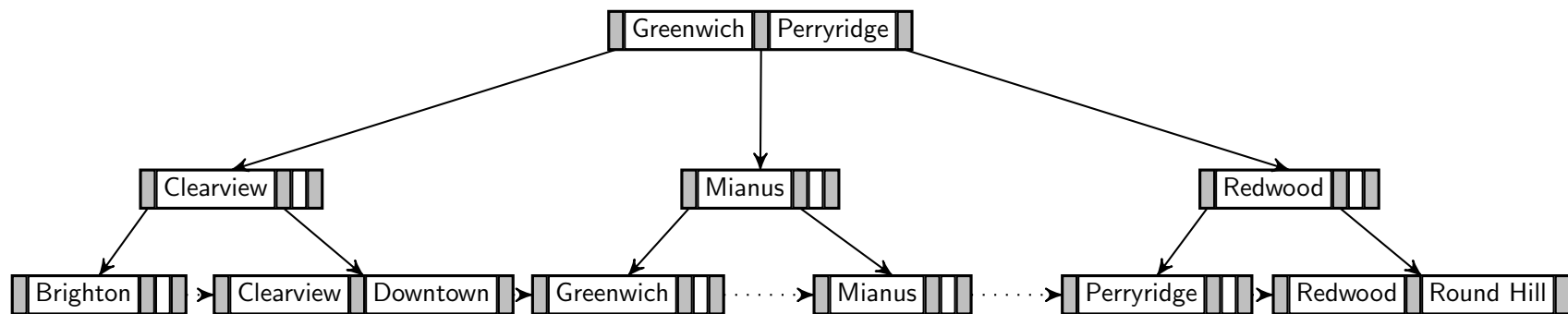


# Beispiel: Einfügen in $B^+$ -Baum/2

- $B^+$ -Baum vor Einfügen von *Greenwich*



- $B^+$ -Baum nach Einfügen von *Greenwich*



# Löschen von $B^+$ -Baum/1

Datensatz mit Suchschlüssel  $k$  löschen:

1. finde Blattknoten mit Suchschlüssel  $k$
2. lösche  $k$  von Knoten
3. **falls** Knoten durch Löschen von  $k$  zu wenige Einträge hat:
  - a. Einträge im Knoten und einem Geschwisterknoten passen in 1 Knoten **dann**:
    - **vereinige** die beiden Knoten in einen einzigen Knoten (den linken, falls er existiert; ansonsten den rechten) und lösche den anderen Knoten
    - lösche den Eintrag im Elternknoten der zwischen den beiden Knoten ist und wende Löschen rekursiv an
  - b. Einträge im Knoten und einem Geschwisterknoten passen *nicht* in 1 Knoten **dann**:
    - **verteile** die Einträge zwischen den beiden Knoten sodass beide die minimale Anzahl von Einträgen haben
    - aktualisiere den entsprechenden Suchschlüssel im Eltern-Knoten

# Löschen von $B^+$ -Baum/2

- **Vereinigung:**
  - Vereinigung zweier Knoten propagiert im Baum nach oben bis ein Knoten mit mehr als  $\lceil m/2 \rceil$  Kindern gefunden wird
  - falls die Wurzel nach dem Löschen nur mehr ein Kind hat, wird sie gelöscht und der Kind-Knoten wird zur neuen Wurzel



# Algorithmus: Löschen im $B^+$ -Baum

## Algorithm 3: B+TreeDelete( $L, k, p$ )

delete( $k, p$ ) from  $L$

**if**  $L$  is root and has only one remaining child **then**

└ make the child the new root and delete  $L$

**else if**  $L$  has too few values/pointers **then**

└  $L' \leftarrow$  previous sibling of  $L$  [next, if there is no previous];

└  $k' \leftarrow$  value between  $L$  and  $L'$  in parent( $L$ );

**if** entries in  $L$  and  $L'$  can fit in a single node **then**

// vereinigen

└ **if**  $L$  is a predecessor of  $L'$  **then** swap  $L$  with  $L'$ ;

└ **if**  $L$  is not a leaf **then**  $L' \leftarrow L' \cup k'$  and all  $(k_i, p_i)$  from  $L$ ;

└ **else**  $L' \leftarrow L' \cup$  all  $(k_i, p_i)$  from  $L$ ;

└ B+TreeDelete(parent( $L$ ),  $k', L$ );

**else**

// verteilen

└ **if**  $L'$  is a predecessor of  $L$  **then**

└ **if**  $L$  is a nonleaf node **then**

└ remove the last  $(k, p)$  of  $L'$ ;

└ insert the former last  $p$  of  $L'$  and  $k'$  as the first pointer and value in  $L$ ;

└ **else** move the last  $(p, k)$  of  $L'$  as the first pointer and value to  $L$ ;

└ replace  $k'$  in parent( $L$ ) by the former last  $k$  of  $L'$ ;

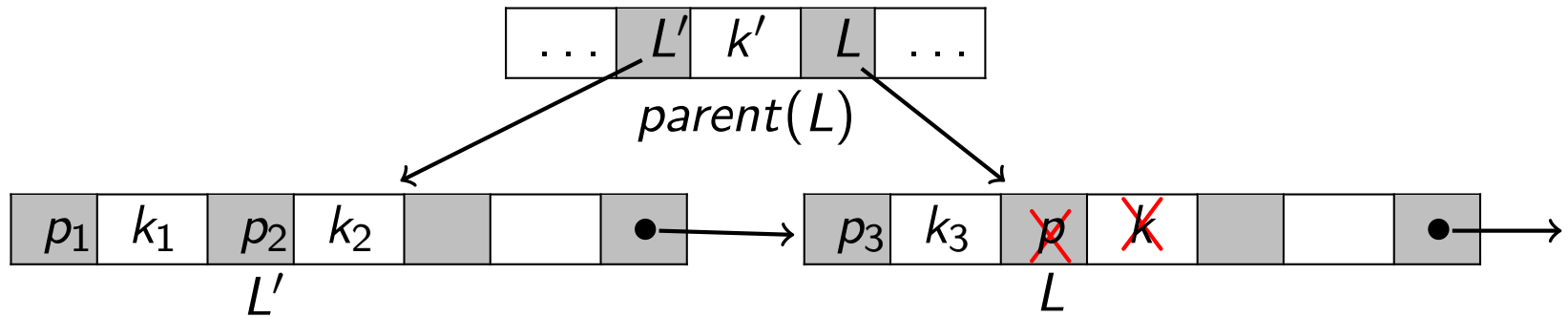
└ **else** symmetric to the then case (switch first  $\leftrightarrow$  last,...);

# Löschen aus Blatt/1

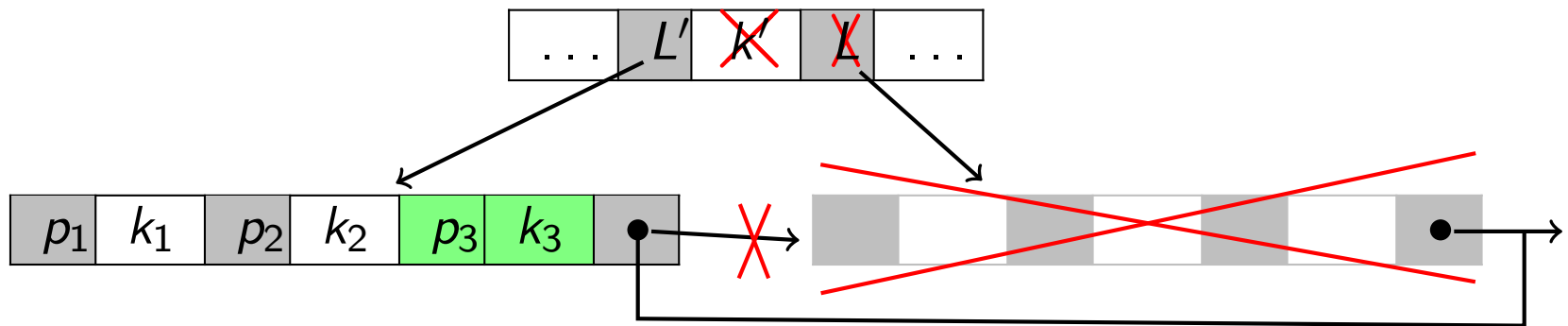
$(k, p)$  wird aus  $L$  gelöscht:

1. Vereinigen ( $m = 4$ )

Vorher:



Nachher:

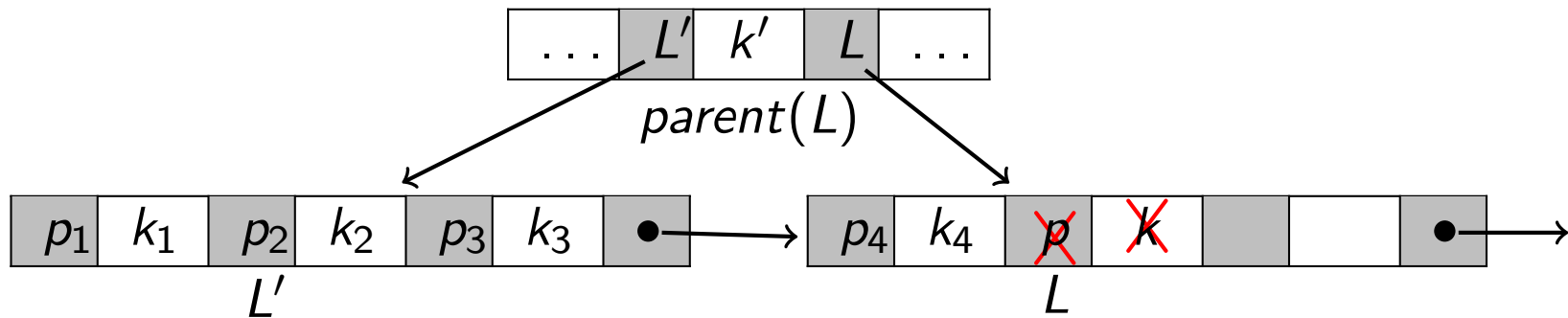


# Löschen aus Blatt/2

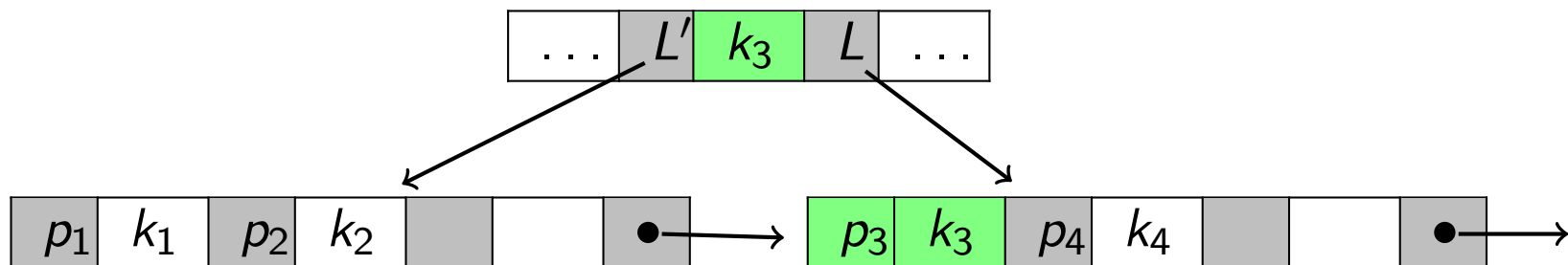
$(k, p)$  wird aus  $L$  gelöscht:

2. Verteilen ( $m = 4$ )

Vorher:



Nachher:

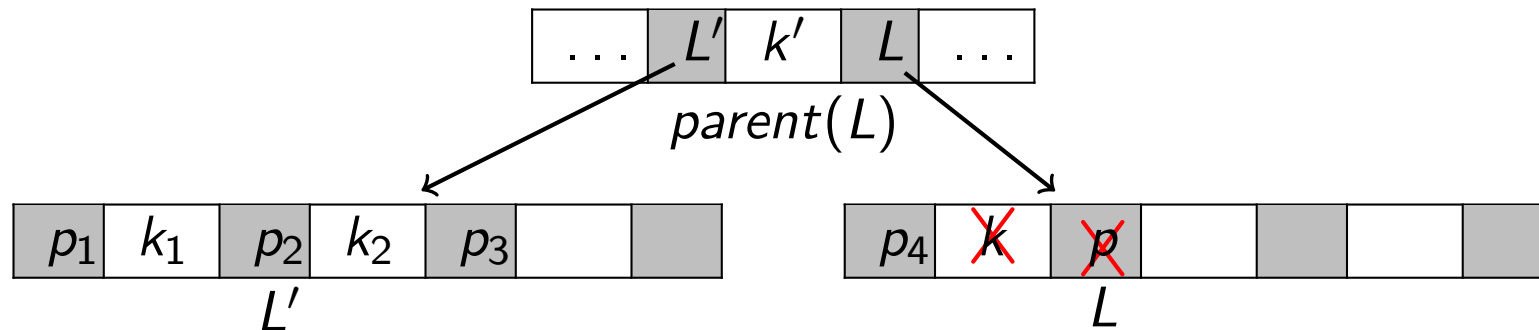


# Löschen aus innerem Knoten/1

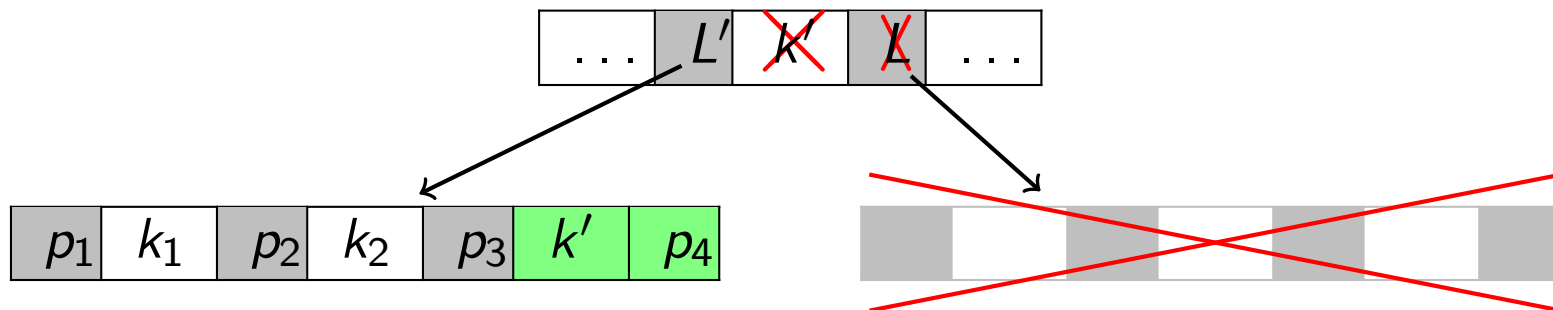
$(k, p)$  wird aus  $L$  gelöscht:

1. Vereinigen ( $m = 4$ )

Vorher:



Nachher:

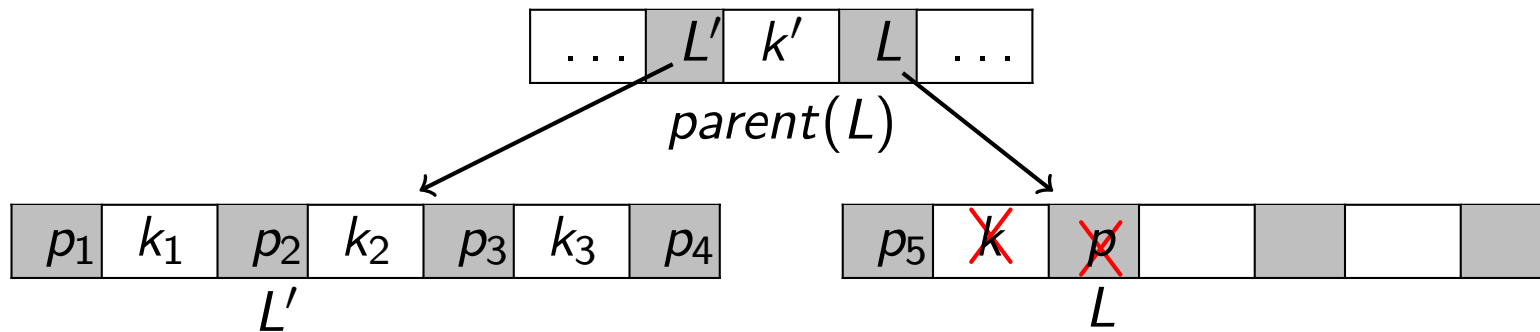


# Löschen aus innerem Knoten/2

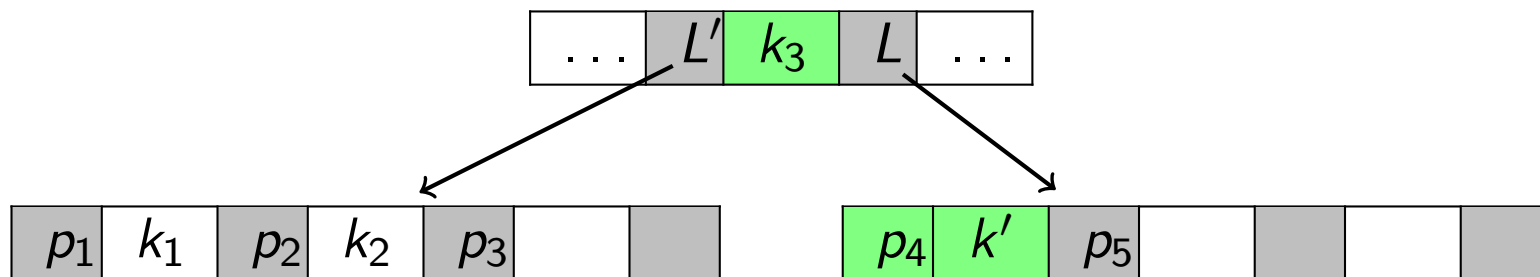
$(k, p)$  wird aus  $L$  gelöscht:

2. Verteilen ( $m = 4$ )

Vorher:

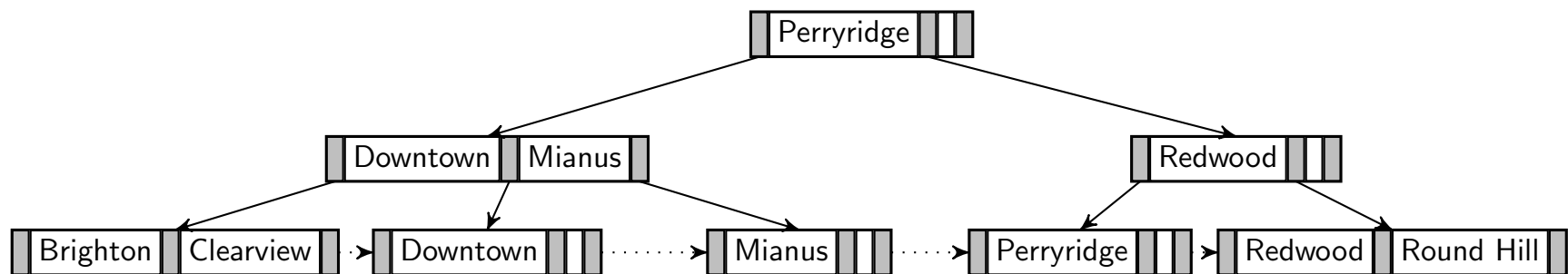


Nachher:

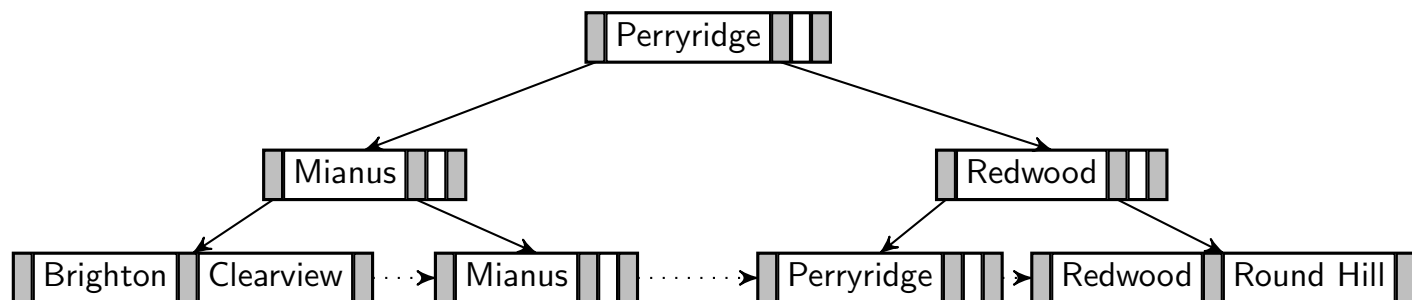


# Beispiel: Löschen von $B^+$ -Baum/1

- Vor Löschen von *Downtown*:



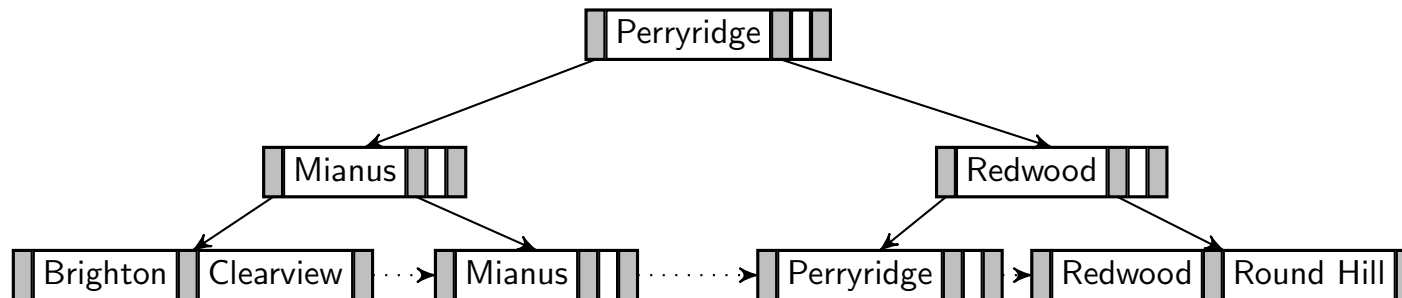
- Nach Löschen von *Downtown*:



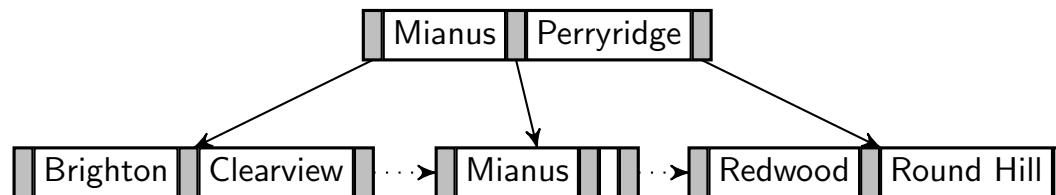
- Nach Löschen des Blattes mit *Downtown* hat der Elternknoten noch genug Pointer.
- Somit propagiert Löschen nicht weiter nach oben.

# Beispiel: Löschen von $B^+$ -Baum/2

- Vor Löschen von *Perryridge*:



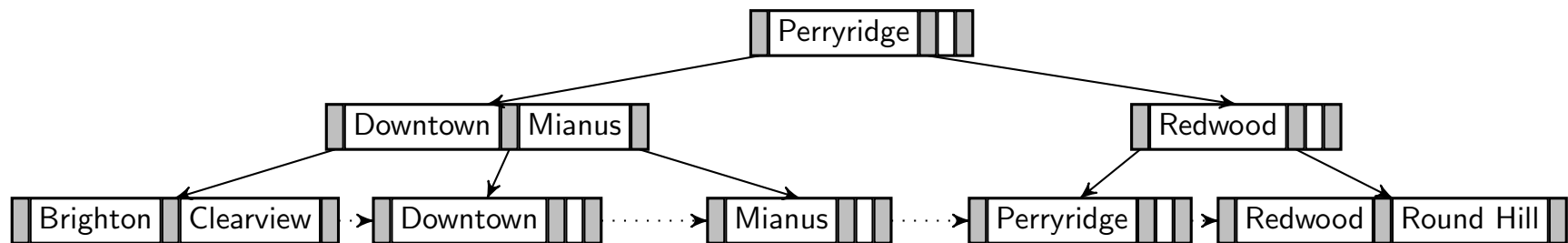
- Nach Löschen von *Perryridge*:



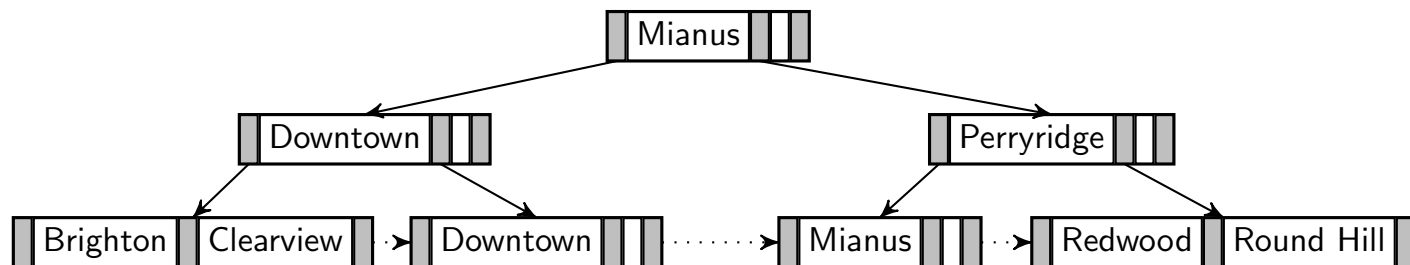
- Blatt mit *Perryridge* hat durch Löschen zu wenig Einträge und wird mit dem (rechten) Geschwisterknoten **vereinigt**.
- Dadurch hat der Elternknoten zu wenig Pointer und wird mit seinem (linken) Geschwisterknoten **vereinigt** (und ein Eintrag wird vom gemeinsamen Elternknoten gelöscht).
- Die Wurzel hat jetzt nur noch 1 Kind und wird gelöscht.

# Beispiel: Löschen von $B^+$ -Baum/3

- Vor Löschen von *Perryridge*:



- Nach Löschen von *Perryridge*:

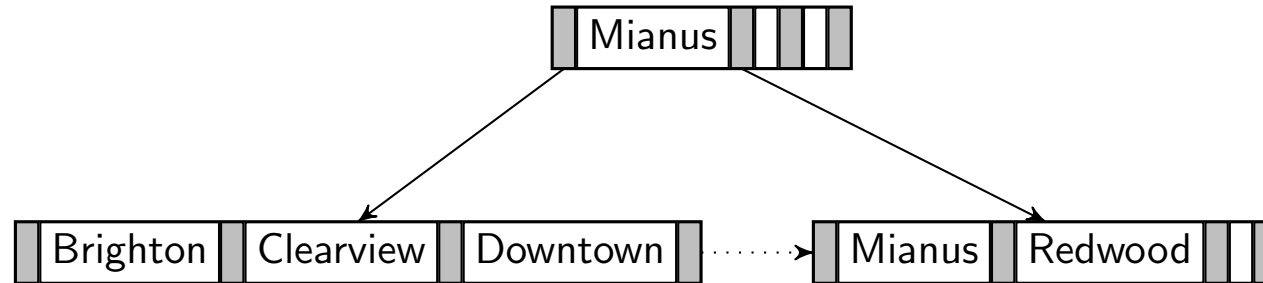


- Elternknoten von Blatt mit *Perryridge* hat durch Löschen zu wenig Einträge und erhält einen Pointer vom linken Nachbarn (**Verteilung** von Einträgen).
- Schlüssel im Elternknoten des Elternknotens (Wurzel in diesem Fall) ändert sich ebenfalls.

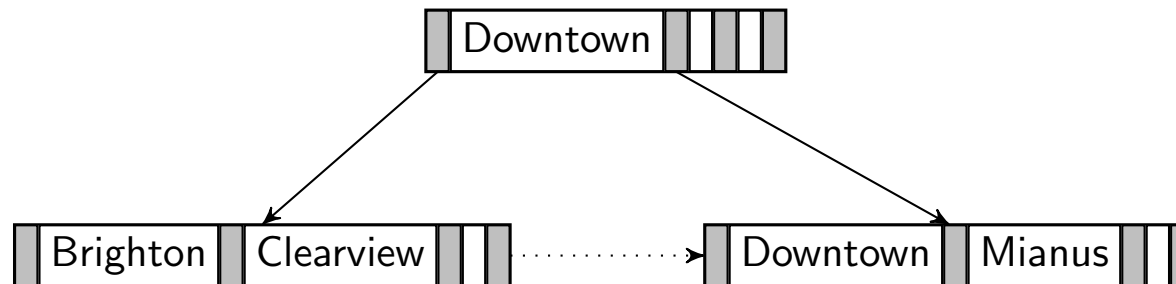


# Beispiel: Löschen von $B^+$ -Baum/4

- Vor Löschen von *Redwood*:



- Nach Löschen von *Redwood*:



- Knoten von Blatt mit *Redwood* hat durch Löschen zu wenig Einträge und erhält einen Eintrag vom linken Nachbarn (**Verteilung** von Einträgen).
- Schlüssel im Elternknoten (Wurzel in diesem Fall) ändert sich ebenfalls.

# Zusammenfassung $B^+$ -Baum

- Knoten mit Pointern verknüpft:
  - logisch nahe Knoten müssen nicht physisch nahe gespeichert sein
  - erlaubt mehr Flexibilität
  - erhöht die Anzahl der nicht-sequentiellen Zugriffe
- $B^+$ -Bäume sind flach:
  - maximale Tiefe  $\lceil \log_{\lceil m/2 \rceil}(L) \rceil$  für  $L$  Blattknoten
  - $m$  ist groß in der Praxis (z.B.  $m = 200$ )
- Suchschlüssel als “Wegweiser”:
  - einige Suchschlüssel kommen als Wegweiser in einem oder mehreren inneren Knoten vor
  - zu einem Wegweiser gibt es nicht immer einen Suchschlüssel in einem Blattknoten (z.B. weil der entsprechende Datensatz gelöscht wurde)
- Einfügen und Löschen sind effizient:
  - nur  $O(\log(K))$  viele Knoten müssen geändert werden
  - Index degeneriert nicht, d.h. Index muss nie von Grund auf rekonstruiert werden

# Inhalt

- 1 Grundlagen
- 2 Sequentielle Indextypen
  - ISAM Index
  - $B^+$ -Baum
- 3 Hash Index**
- 4 Mehrschlüssel Indizes
- 5 Indizes in SQL

# Statisches Hashing

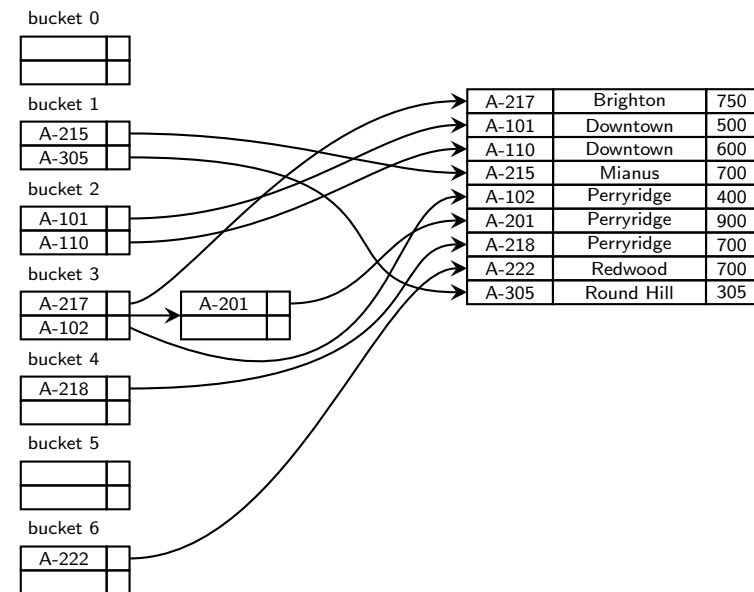
- Nachteile von ISAM und  $B^+$ -Baum Indizes:
  - $B^+$ -Baum: Suche muss Indexstruktur durchlaufen
  - ISAM: binäre Suche in großen Dateien
  - das erfordert zusätzliche Zugriffe auf Plattenblöcke
- Hashing:
  - erlaubt es auf Daten direkt und ohne Indexstrukturen zuzugreifen
  - kann auch zum Bauen eines Index verwendet werden

# Hash Index

- **Hash Index:** organisiert (Suchschlüssel,Pointer) Paare als Hash Datei
  - Pointer zeigt auf Datensatz
  - Suchschlüssel kann mehrfach vorkommen

- **Beispiel:** Index auf Konto-Relation

- Hash Funktion  $h$ : Quersumme der Kontonummer modulo 7
- Beachte: Konto-Relation ist nach Filialnamen geordnet



- Hash Index ist immer **Non-Clustering Index**:
  - ist deshalb immer "dense"
  - Primär- bzw. Clustering Hash Index entspricht einer Hash Datei Organisation (zusätzliche Index-Ebene überflüssig)

# $B^+$ -Baum vs. Hash Index

- Hash Index degeneriert wenn es sehr viele identische (Hashwerte für) Suchschlüssel gibt – Overflows!
- Im Average Case für Punktanfragen in  $n$  Datensätzen:
  - Hash index:  $O(1)$  (sehr gut)
  - $B^+$ -Baum:  $O(\log n)$
- Worst Case für Punktanfragen in  $n$  Datensätzen:
  - Hash index:  $O(n)$  (sehr schlecht)
  - $B^+$ -Baum:  $O(\log n)$
- Anfragetypen:
  - Punktanfragen: Hash und  $B^+$ -Baum
  - Mehrpunktanfragen: Hash und  $B^+$ -Baum
  - Bereichsanfragen: Hash Index nicht brauchbar

# Inhalt

- 1 Grundlagen
- 2 Sequentielle Indextypen
  - ISAM Index
  - $B^+$ -Baum
- 3 Hash Index
- 4 Mehrschlüssel Indizes
- 5 Indizes in SQL

# Zugriffe über mehrere Suchschlüssel/1

- Wie kann Index verwendet werden, um folgende Anfrage zu beantworten?

```
select AccNr
```

```
from account
```

```
where BranchName = "Perryridge" and Balance = 1000
```

- Strategien mit mehreren Indizes (jeweils 1 Suchschlüssel):
  - a) *BranchName* = "Perryridge" mit Index auf *BranchName* auswerten; auf Ergebnis-Datensätzen *Balance* = 1000 testen.
  - b) *Balance* = 1000 mit Index auf *Balance* auswerten; auf Ergebnis-Datensätzen *BranchName* = "Perryridge" testen.
  - c) Verwende *BranchName* Index um Pointer zu Datensätzen mit *BranchName* = "Perryridge" zu erhalten; verwende *Balance* Index für Pointer zu Datensätzen mit *Balance* = 1000; berechne die Schnittmenge der beiden Pointer-Mengen.



# Zugriffe über mehrere Suchschlüssel/2

- Nur die dritte Strategie nützt das Vorhandensein mehrerer Indizes.
- Auch diese Strategie kann eine schlechte Wahl sein:
  - es gibt viele Konten in der "Perryridge" Filiale
  - es gibt viele Konten mit Kontostand 1000
  - es gibt nur wenige Konten die beide Bedingungen erfüllen
- Effizientere Indexstrukturen müssen verwendet werden:
  - (traditionelle) Indizes auf kombinierten Schlüsseln
  - spezielle mehrdimensionale Indexstrukturen, z.B., Grid Files, Quad-Trees, Bitmap Indizes.

# Zugriffe über mehrere Suchschlüssel/3

- Annahme: Geordneter **Index mit kombiniertem Suchschlüssel** (*BranchName, Balance*)
- Kombinierte Suchschlüssel haben eine **Ordnung** (*BranchName* ist das erste Attribut, *Balance* ist das zweite Attribut)
  - Folgende Bedingung wird effizient behandelt (alle Attribute):  
**where** *BranchName* = "Perryridge" **and** *Balance* = 1000
  - Folgende Bedingung wird effizient behandelt (Prefix):  
**where** *BranchName* = "Perryridge"
  - Folgende Bedingung ist ineffizient (kein Prefix der Attribute):  
**where** *Balance* = 1000

# Inhalt

- 1 Grundlagen
- 2 Sequentielle Indextypen
  - ISAM Index
  - $B^+$ -Baum
- 3 Hash Index
- 4 Mehrschlüssel Indizes
- 5 Indizes in SQL

# Index Definition in SQL

- SQL-92 definiert keine Syntax für Indizes da diese nicht Teil des logischen Datenmodells sind.
- Jedoch alle Datenbanksysteme stellen Indizes zur Verfügung.
- Index erzeugen:  
**create index** <IdxName> **on** <RelName> (<AttrList>)  
z.B. **create index** BrNalIdx **on** branch (branch-name)
- **Create unique index** erzwingt eindeutige Suchschlüssel und definiert indirekt ein Schlüsselattribut.
- Primärschlüssel (**primary key**) und Kandidatenschlüssel (**unique**) werden in SQL bei der Tabellendefinition spezifiziert.
- Index löschen:  
**drop index** <index-name>  
z.B. **drop index** BrNalIdx

# Beispiel: Indizes in PostgreSQL

- **CREATE [UNIQUE] INDEX** name **ON** table\_name  
" (" col [**DESC**] { ", " col [**DESC**] } " )" [...]
- **Beispiele:**
  - **CREATE INDEX** MajIdx **ON** Enroll (Major);
  - **CREATE INDEX** MajIdx **ON** Enroll **USING HASH** (Major);
  - **CREATE INDEX** MajMinIdx **ON** Enroll (Major, Minor);

# Indexes in Oracle

- $B^+$ -Baum Index in Oracle:

```
CREATE [UNIQUE] INDEX name ON table_name  
    "(" col [DESC] { "," col [DESC] } ")" [pctfree n] [...]
```

- Anmerkungen:

- pct\_free gibt an, wieviel Prozent der Knoten anfangs frei sein sollen.
- UNIQUE sollte nicht verwendet werden, da es ein logisches Konzept ist.
- Oracle erstellt einen  $B^+$ -Baum Index für jede **unique** oder **primary key** definition bei der Erstellung der Tabelle.

- Beispiele:

```
CREATE TABLE BOOK (  
    ISBN INTEGER, Author VARCHAR2 (30) , ... );  
CREATE INDEX book_auth ON book(Author);
```

# Anmerkungen zu Indizes in Datenbanksystemen

- Indizes werden **automatisch nachgeführt** wenn Tupel eingefügt, geändert oder gelöscht werden.
- Indizes **verlangsamen** deshalb Änderungsoperationen.
- Einen **Index zu erzeugen** kann lange dauern.
- **Bulk Load**: Es ist (viel) effizienter, zuerst die Daten in die Tabelle einzufügen und nachher alle Indizes zu erstellen als umgekehrt.

# Zusammenfassung

- **Index Typen:**
  - Clustering vs. Non-Clustering Index
  - Dense oder Sparse
- **$B^+$ -Baum:**
  - universelle Indexstruktur, auch für Bereichsanfragen
  - Garantien zu Tiefe, Füllgrad und Effizienz
  - Einfügen und Löschen
- **Hash Index:**
  - statisches und erweiterbares Hashing
  - kein Index für Primärschlüssel nötig
  - gut für Prädikate mit “=”
- **Mehrschlüssel Indizes:** schwieriger, da es keine totale Ordnung in mehreren Dimensionen gibt
- Indizes in **SQL**